

骨髓第2-73号  
2020年 5月 8日

一般社団法人日本造血細胞移植学会  
理事長 豊嶋 崇徳 殿

公益財団法人日本骨髓バンク  
理事長 小寺 良尚



日本組織適合性学会HLA標準化委員会「推定アレルHLA-C\*07:02Nおよび  
HLA-C\*03:23Nについて」について（依頼）

謹啓

平素は、骨髓バンク事業の推進に格段のご理解ご協力を賜り厚く御礼申し上げます。

さてこの度、日本組織適合性学会 HLA標準化委員会より推定アレル一覧表（JSHI）2020年度版の更新に伴う追加および名称変更について「推定アレルHLA-C\*07:02NおよびHLA-C\*03:23Nについて（別紙）」のご連絡をいただきました。

本件に関する日本赤十字社ならびに当法人の対応を下記のとおり予定しますので、貴学会員様にご案内いただきたくお願いいたします。

今後ともご高配を賜りますよう宜しくお願い申し上げます。

謹白

記

（別紙）1、新規アレル HLA-C\*07:02N についてはデータベースに追加済

（別紙）2、HLA-C\*03:23⇒C\*03:23N（名称変更）については、本年6月の対応を予定  
骨髓バンクで保持する HLA-C\*03:23 のデータを C\*03:23N に一斉変換しますのでご了承  
ください。過去の症例における HLA データならびに進行中の患者 HLA データについて  
も対応します。患者およびドナーの HLA データを同時に一斉変換しますので、検索され  
るドナー数等適合する割合（確率）は、これまでと変わりません。

以上

## 推定アレル HLA-C\*07:02N および HLA-C\*03:23N について

日本組織適合性学会  
HLA 標準化委員会

標記の推定アレルは、推定アレル一覧表 (JSHI) 2020 年度版の更新に伴い、追加および名称変更されたアレルであり、これらアレルに関する情報を以下に示す。

## 1、HLA-C\*07:02N

- 1) 対象アレル : C\*07:02:01:17N
  - 2) 塩基配列 : C\*07:02:01:01 と比較シイントロン 3 領域の 2 番塩基が T から A へ置換 (別添資料参照)
  - 3) 発現状態 : スプライスサイトの置換により発現抑制が予測される。\*<sup>1</sup>
  - 4) 遺伝子頻度 : 0.0053% (14 人/259,466 人) \*<sup>1</sup>
  - 5) 推定されるハプロタイプ : A\*11:01-C\*07:02:01:17N-B\*67:01:01-DRB1\*16:02 \*<sup>1</sup>
- \*<sup>1</sup> 参考文献 : A novel HLA-C allele, HLA-C\*07:02:01:17N, with an alternative splice site. *HLA* 2018, 92 : 56-57

## 2、HLA-C\*03:23N

- 1) 対象アレル : HLA-C\*03:23 ⇒ C\*03:23N (名称変更)
  - 2) 塩基配列 : C\*03:04:01:02 と比較してエキソン 3 の 406 番塩基が G から A へ置換 (別添資料参照)
  - 3) 発現状態 : LCT で Cw3 アロ抗体に反応せず。C\*03:23 を保有するドナー由来のリンパ球細胞表面に Cw3 抗原が発現していないことを MoAb を用い FCM で確認した。\*<sup>2</sup>
  - 4) 非発現の理由 : エキソン領域の塩基置換が新たなスプライスサイトを形成することで、フレームシフトによりストップコドンを生じ発現を抑制したと予測される。\*<sup>2</sup>
  - 5) 遺伝子頻度 : 0.027% (220 人/800,552 人) \*<sup>2</sup>
  - 6) 推定されるハプロタイプ : A\*26:01-C\*03:23N-B\*40:02-DRB1\*09:01 \*<sup>2</sup>
- \*<sup>2</sup> 参考文献 : A new HLA-C allele with an alternative splice site in exon 3: HLA-C\*03:23N. *HLA* 2020 (in press)

別添資料

HLA-C\*07:02:01:17N

	Exon 3	Intron 3						
Nuc.Pos		1000	1010	1020	1030	1040	1050	1060
		Standard acceptor site						
C*07:02:01:01	GCTGCAGCGCGCAG	gtaccagggg	cagtgggg	gagccttcccc	atctcctatagatctccc	gggatggcct		
	L Q R A							
C*07:02:01:17N	GCTGCAGCGCGCAGG	AACCAGGGG	CAGTGGG	GAGCCTTCCCC	ATCTCCTATAGATCTCC	CGGATGGCCT		
	L Q R A G T R G S G E P S P S P I D L P G W P							
Nuc.Pos	1070	1080	1090	1100	1110	1120		
C*07:02:01:01	cccacgaggagggg	aggaaaatggg	atcagcactgga	aatatcgccctcc	cttgaatggag			
C*07:02:01:17N	CCCACGAGGAGGGG	AGGAAAATGGG	ATCAGCACTGGA	AATATCGCCCTCC	CTTGAATGGAG			
	P T R R G G K W D Q H W N I A L P *							
							Stop Codon	

HLA-C\*03:23N

